

Cours M2 BIM - Séance 1

Repliement *in silico* de l'ARN

Yann Ponty

Bioinformatics Team
École Polytechnique/CNRS/INRIA AMIB – France

<http://www.lix.polytechnique.fr/~ponty/index.php?page=bim2013>

18 Février 2013

Avant propos ...

... ou comment gagner 1 million de dollars en rendant la monnaie !!

Problème : Vous disposez de pièces de **1**, **20** et **50** centimes. Le client souhaite minimiser la monnaie reçue (en nombre de pièces).
Comment rendre **N** en monnaie sans perdre un client ?

Stratégie 1 : Commencer par les *grosses* pièces puis compléter avec les *petites*.

$$21 = ??$$

Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Avant propos ...

... ou comment gagner 1 million de dollars en rendant la monnaie !!

Problème : Vous disposez de pièces de **1**, **20** et **50** centimes. Le client souhaite minimiser la monnaie reçue (en nombre de pièces).
Comment rendre **N** en monnaie sans perdre un client ?

Stratégie 1 : Commencer par les *grosses* pièces puis compléter avec les *petites*.

$$21 = \text{€}20 + \text{€}1$$

55??

Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Avant propos ...

... ou comment gagner 1 million de dollars en rendant la monnaie !!

Problème : Vous disposez de pièces de **1**, **20** et **50** centimes. Le client souhaite minimiser la monnaie reçue (en nombre de pièces).
Comment rendre **N** en monnaie sans perdre un client ?

Stratégie 1 : Commencer par les *grosses* pièces puis compléter avec les *petites*.

$$21 = \text{€}20 + \text{€}1$$

$$55 = \text{€}50 + \text{€}20 + \text{€}1 + \text{€}1 + \text{€}1 + \text{€}1$$

60??

Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Avant propos ...

... ou comment gagner 1 million de dollars en rendant la monnaie !!

Problème : Vous disposez de pièces de **1, 20 et 50 centimes**. Le client souhaite minimiser la monnaie reçue (en nombre de pièces).
Comment rendre **N** en monnaie sans perdre un client ?

Stratégie 1 : Commencer par les *grosses* pièces puis compléter avec les *petites*.

$$21 = \text{€} + \text{c}$$

$$55 = \text{€} + \text{c} + \text{c} + \text{c} + \text{c} + \text{c} + \text{c}$$

$$60 = \text{€} + \text{c} ??$$

Avant propos ...

... ou comment gagner 1 million de dollars en rendant la monnaie !!

Problème : Vous disposez de pièces de **1, 20 et 50 centimes**. Le client souhaite minimiser la monnaie reçue (en nombre de pièces).
Comment rendre **N** en monnaie sans perdre un client ?

Stratégie 1 : Commencer par les *grosses* pièces puis compléter avec les *petites*.

$$21 = \text{€} + \text{c}$$

$$55 = \text{€} + \text{c} + \text{c} + \text{c} + \text{c} + \text{c} + \text{c}$$

$$\begin{aligned} 60 &= \text{€} + \text{c} ?? \\ &= \text{€} + \text{€} + \text{c} ! \end{aligned}$$

Problème *a priori* (?) non-résolvable en général par une approche *gloutonne* car problème plus simple NP-complet (Existe-t-il même une façon efficace de rendre la monnaie ? $\Rightarrow 1M$$).

Pré-introduction de dernière minute ...

Stratégie 2 : Il existe une récurrence donnant le nombre minimal de pièce :

$$NbPieces(N) = \text{Min} \left\{ \begin{array}{lcl} \text{c} & \rightarrow & 1 + NbPieces(N - 1) \\ \text{€} & \rightarrow & 1 + NbPieces(N - 20) \\ \text{€} & \rightarrow & 1 + NbPieces(N - 50) \end{array} \right.$$

Avec un peu de mémoire (**N** résultats intermédiaires/cas à retenir), on peut alors répondre après **N** × #Pièces calculs.

Remarque : On n'a pas gagné le million, car **N** a une valeur **exponentielle** sur son codage. Cet algorithme est donc en temps **exponentiel** au regard de la théorie de la complexité.

Mais on a **optimisé**, en évitant un parcours **exhaustif** de l'arbre des possibles :
 \Rightarrow Programmation dynamique.

Résumé

1 Introduction

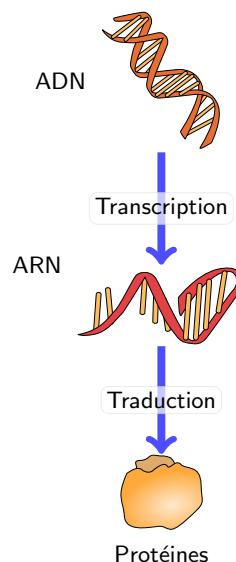
- Fonction(s) de l'ARN
- Repliement et structure
- Représentations de la structure secondaire

2 Formalisation du repliement et outils disponibles

- Aparté thermodynamique
- Programmation dynamique : Rappels

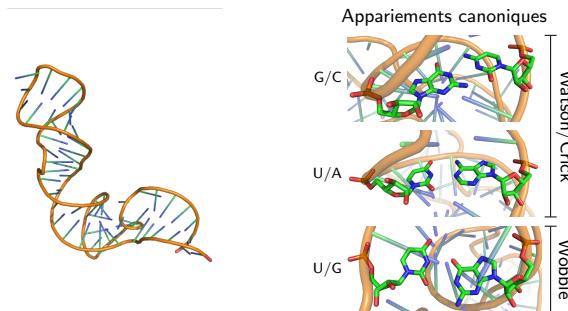
3 Minimisation de l'énergie libre

- Modèle de Nussinov
- Modèle de Turner
- MFold/Unafold
- Performances et approches comparatives
- Vers une prédition ab-initio 3D



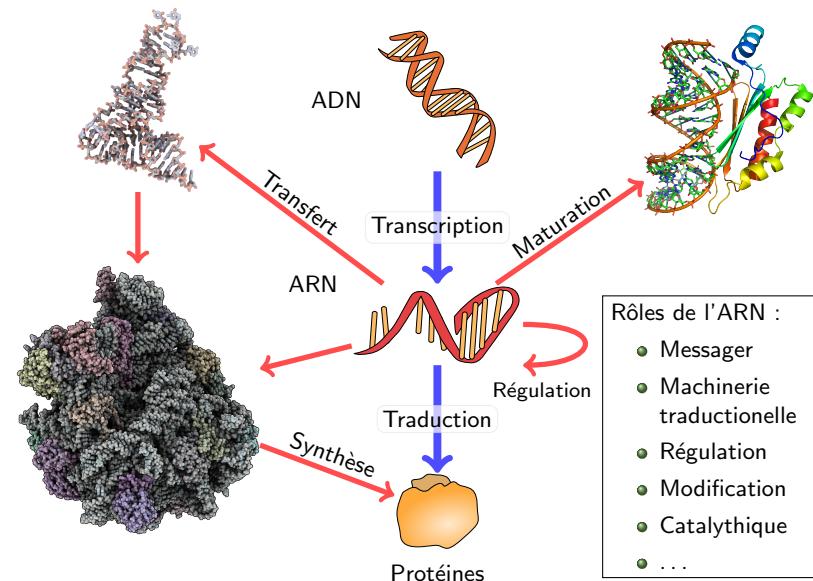
Repliement de l'ARN

ARN = Biopolymère composé de nucléotides A,C,G et U
A : Adénosine, C : Cytosine, G : Guanine et U : Uracile



Repliement de l'ARN = Processus stochastique continu dirigé par (résultant en) un appariement des nucléotides.

Comprendre le repliement des ARN aide à comprendre et prédire leur fonction.

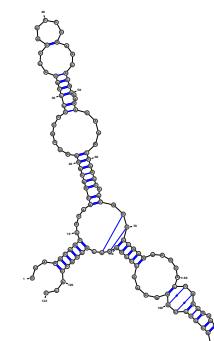


Structure de l'ARN

Trois¹ niveaux de représentation :

UUAGGGGGCACAGC
GGUGGGGUUGCCUCC
CGUACCAUCCGAA
CACGGAAGAUAGCC
CACCAAGGGUCCGGG
GAGUACUGGAGUGCG
CGAGCCUCUGGAAA
CCCGGUUCGCCGCCA
CC

Structure primaire



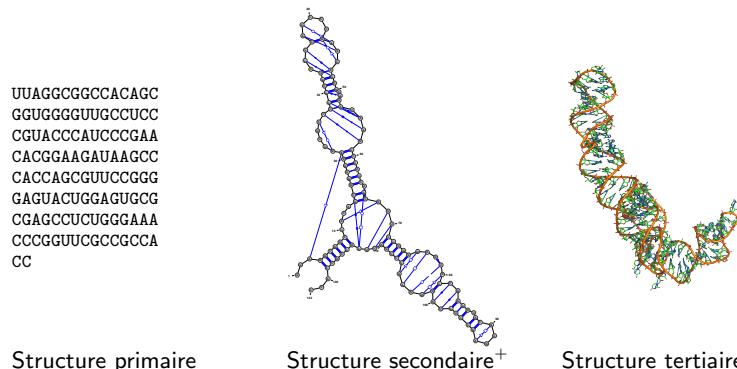
Structure secondaire



Structure tertiaire

Source : 5s rRNA (PDB 1K73 :B)

Trois¹ niveaux de représentation :



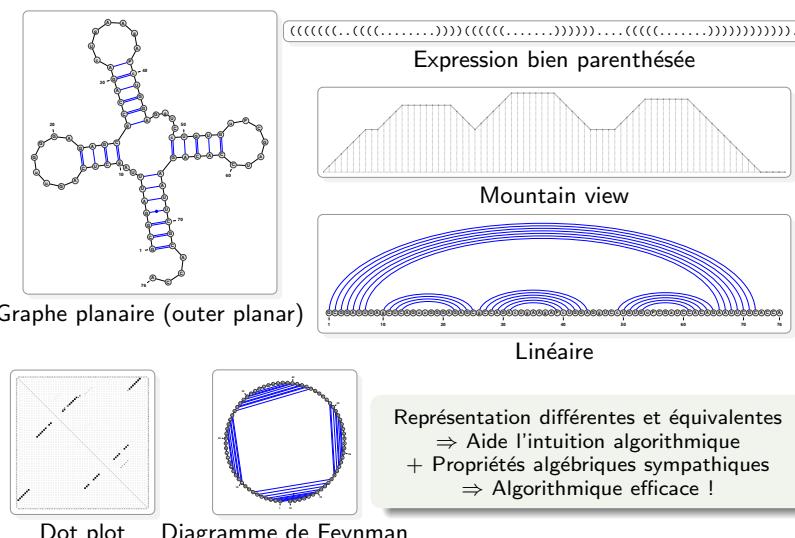
Source : 5s rRNA (PDB 1K73 :B)

1. Enfin, presque ...

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Diversité de représentations

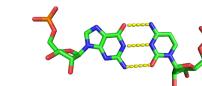


Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Appariements non-canoniques

Toute paire de base **autre que** {(A-U), (C-G), (G-U)}
Ou interagissant sur un bord non-standard (WC/WC-Cis) [?].

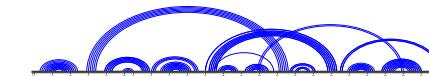


Paire CG canonique (WC/WC-Cis)



Paire CG non canonique (Sucré/WC-Trans)

Pseudonoeuds



Structure pseudonoeud d'un Ribozyme du Groupe I (PDBID : 1Y0Q :A)

Plus expressif, mais repliement général *in silico* avec pseudonoeud :
⇒ NP-Complet [?] ... polynomial pour certaines classes [?].

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Résumé

1 Introduction

- Fonction(s) de l'ARN
- Repliement et structure
- Représentations de la structure secondaire

2 Formalisation du repliement et outils disponibles

- Aparté thermodynamique
- Programmation dynamique : Rappels

3 Minimisation de l'énergie libre

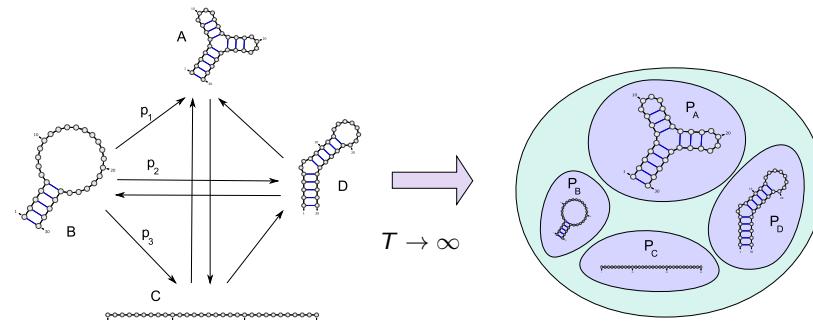
- Modèle de Nussinov
- Modèle de Turner
- MFold/Unafold
- Performances et approches comparatives
- Vers une prédition ab-initio 3D

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Aparté thermodynamique

A l'échelle nanoscopique, la structure de l'ARN *fluctue*.



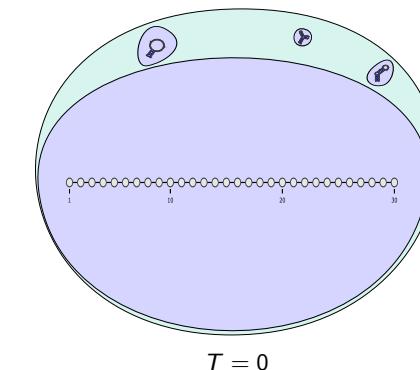
Convergence vers une **distribution stationnaire** de probabilité, l'**équilibre de Boltzmann**, où la probabilité est exponentiellement faible sur l'**énergie libre**.
Corollaire : La conformation initiale est sans importance.

Problèmes soulevés :

- Étant donnés des modèles pour l'**ensemble des conformations** et l'**énergie libre**.
- Déterminer la structure la plus probable (= Energie libre minimale) à l'équilibre
 - Déterminer des propriétés moyennes de l'ensemble de Boltzmann

Hors de l'équilibre

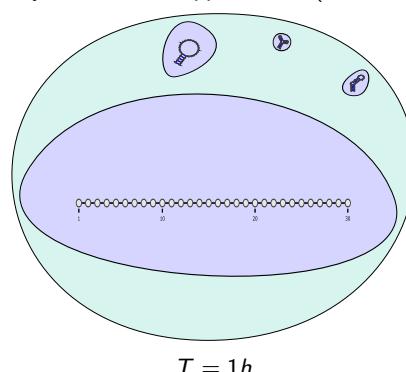
Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



$T = 0$

Hors de l'équilibre

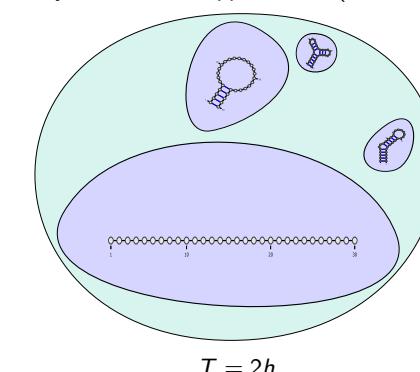
Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



$T = 1h$

Hors de l'équilibre

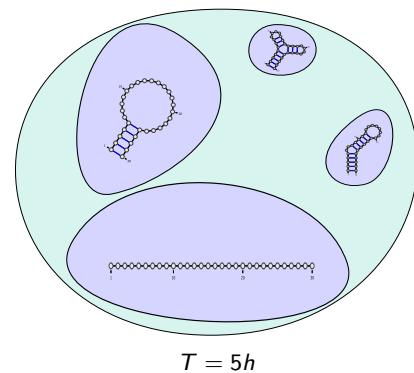
Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



$T = 2h$

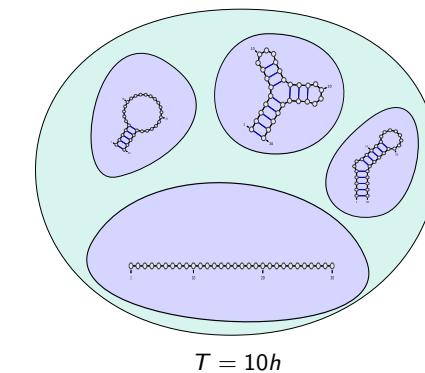
Hors de l'équilibre

Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



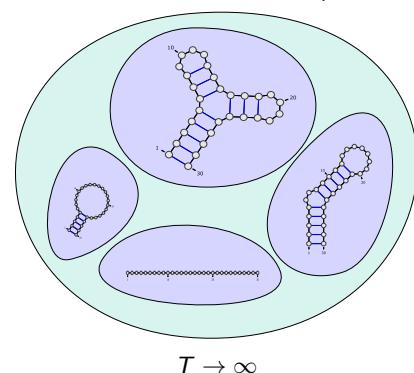
Hors de l'équilibre

Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



Hors de l'équilibre

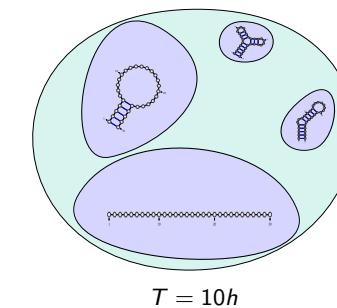
Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



Mais majorité des ARNm dégradés avant 7h (Org. : Souris [?]).

Hors de l'équilibre

Transcription : ARN synthétisé sans appariement (Sauf exception)



Mais majorité des ARNm dégradés avant 7h (Org. : Souris [?]).

- Déterminer la structure la plus probable (= Energie libre min.) à l'équilibre
- Déterminer des propriétés moyennes de l'ensemble de Boltzmann
- Déterminer la structure la plus probable à temps T .
(c.f. H. Isambert par simulation, NP-complet en déterministe [?])

1 Introduction

- Fonction(s) de l'ARN
- Repliement et structure
- Représentations de la structure secondaire

2 Formalisation du repliement et outils disponibles

- Aparté thermodynamique
- Programmation dynamique : Rappels

3 Minimisation de l'énergie libre

- Modèle de Nussinov
- Modèle de Turner
- MFold/Unafold
- Performances et approches comparatives
- Vers une prédition ab-initio 3D

Programmation dynamique = Technique générale pour l'optimisation.
Condition : Solution optimale pour P peut être reconstruite à partir de solutions pour des sous-problèmes strictes de P .

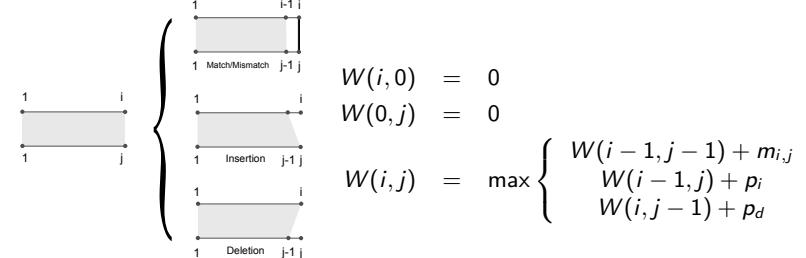
Bioinformatique :

Espace de solutions *discret* (alignements, repliements)

+ Fonction objectif *additive* (score, énergie)

⇒ Schéma de programmation dynamique efficace.

Exemple : Alignement local (Smith/Waterman)



Détails algorithmiques

Un schéma fait intervenir des *classes* de sous-problèmes dont on sait calculer le score du *champion*.

Étant donné un schéma, deux étapes :

- **Calcul matrices** : Sauvegarde des meilleurs scores sur classes de sous-problèmes (Ordre inverse de celui induit par les dépendances).
- **Remontée** : Reconstitue le parcours ayant mené au meilleur score.
(Parcours = Instance)

Complexité du calcul dépend alors :

- Taille de l'espace des sous-problèmes
- Nombres de sous-problèmes considérés (#Termes décomposition)

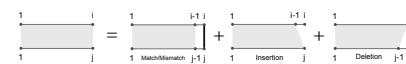
Exemple S/W :

$$i : 1 \rightarrow n+1 \Rightarrow \Theta(n)$$

$$j : 1 \rightarrow m+1 \Rightarrow \Theta(m)$$

Trois opération pour chaque sous-calcu

$\Rightarrow \Theta(m.n)$ temps/mémoire



Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$W(i, 0) = 0$$

$$W(0, j) = 0$$

$$W(i, j) = \max \begin{cases} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{cases}$$

	A	C	A	C	A	C	T	A
0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0							
G	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							

Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

	A	C	A	C	A	C	T	A
0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0 → 2							
G	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							

Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

	A	C	A	C	A	C	T	A
0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	2 → 1						
G	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							

Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

	A	C	A	C	A	C	T	A
0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	2 → 1 → 2						
G	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							

Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

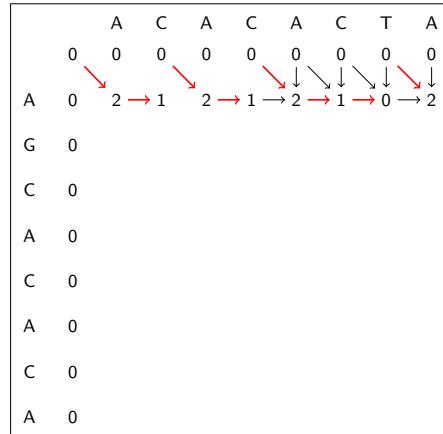
	A	C	A	C	A	C	T	A
0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	2 → 1	2 → 1	2 → 1				
G	0							
C	0							
A	0							
C	0							
A	0							

Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

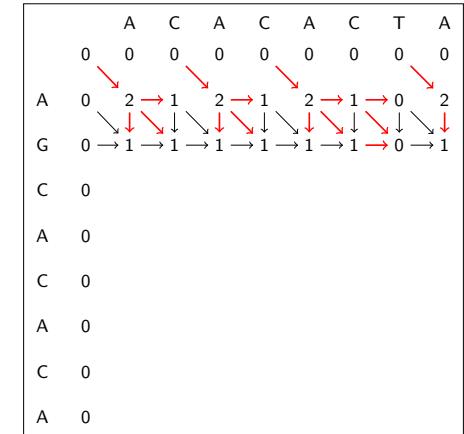


Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

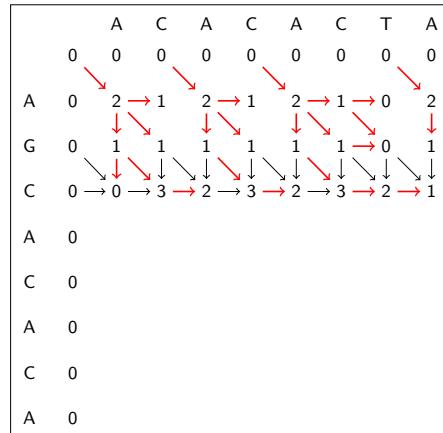


Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

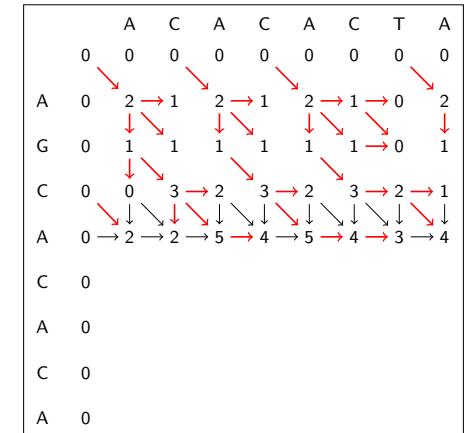


Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

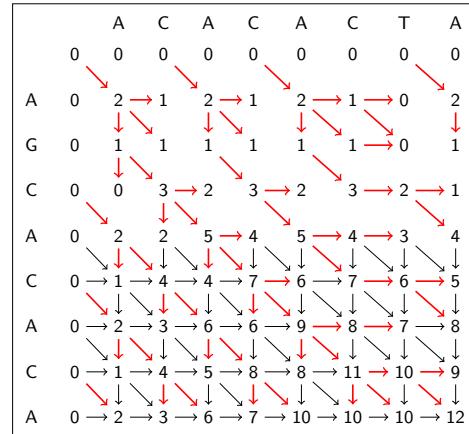


Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

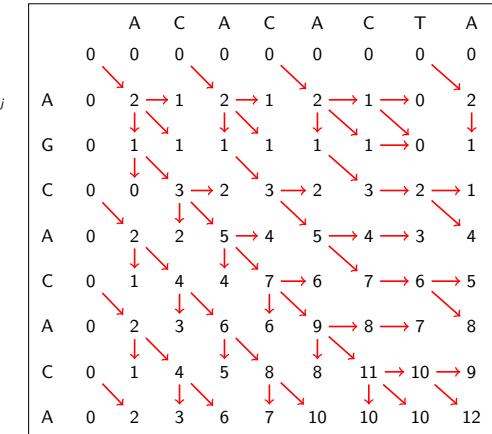


Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

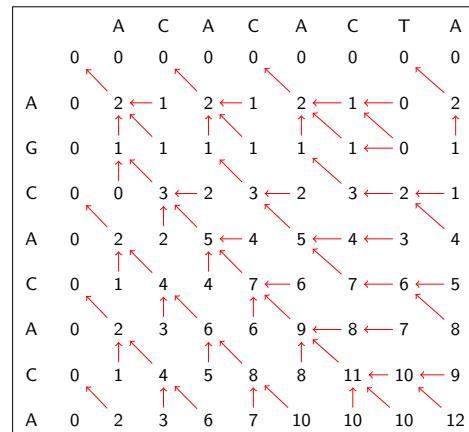


Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$



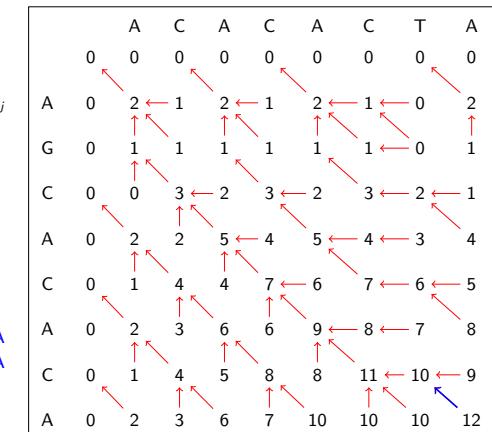
Meilleur alignement

Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$



Meilleur alignement

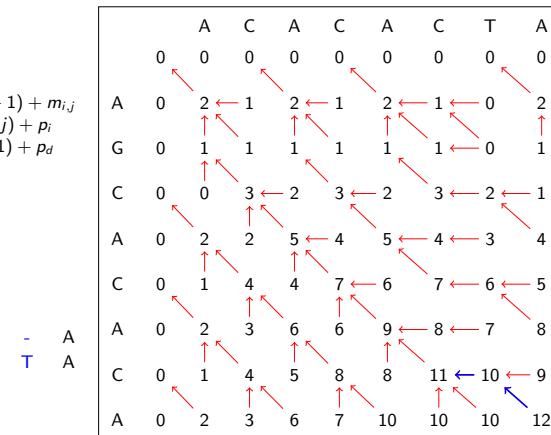
Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement



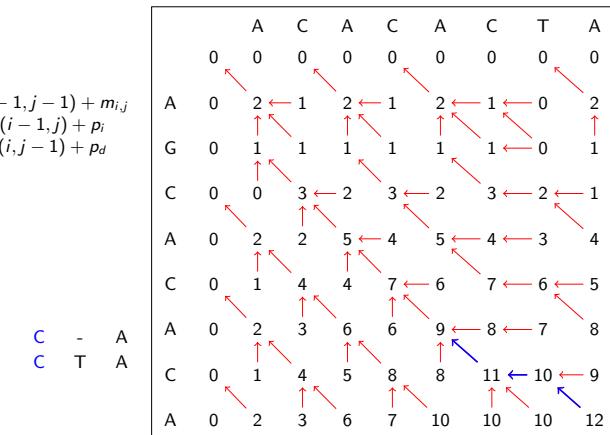
Exemple complet

Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement



Exemple complet

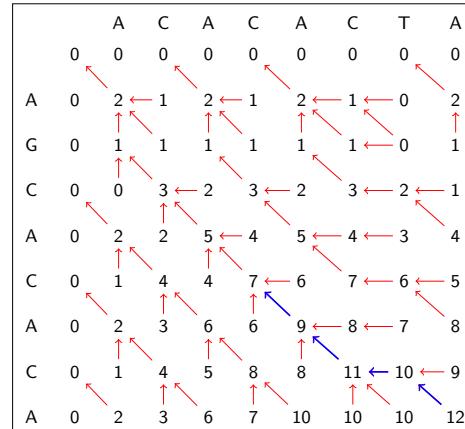
Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement

A C - A
A C T A



Exemple complet

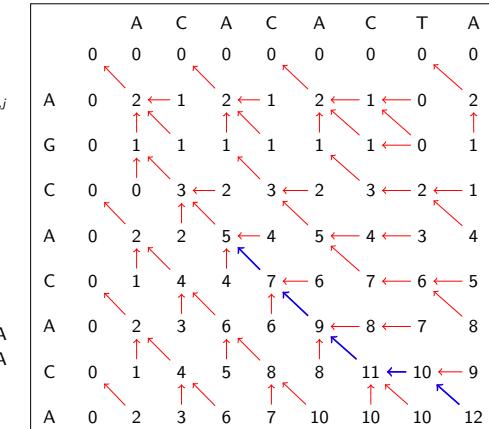
Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement

C A C - A
C A C T A



Exemple complet

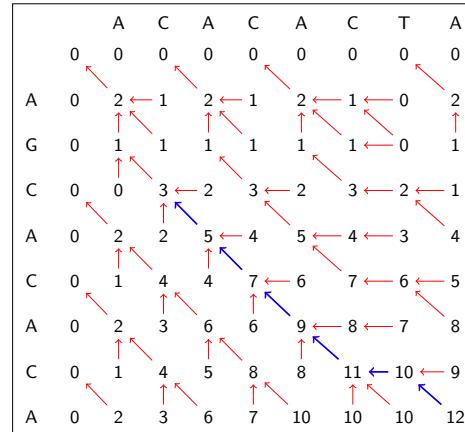
Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement

A C A C - A
A C A C T A



Exemple complet

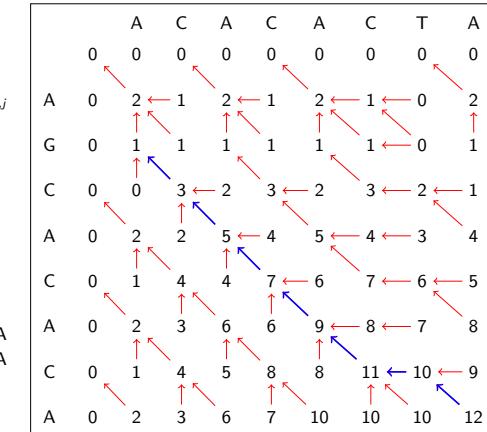
Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement

C A C A C - T A
C A C A C T A



Exemple complet

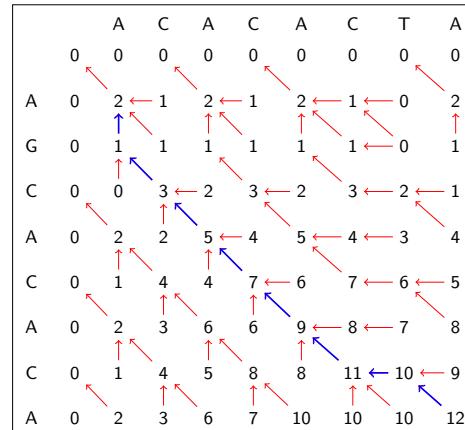
Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement

G C A C A C - A
- C A C A C T A



Exemple complet

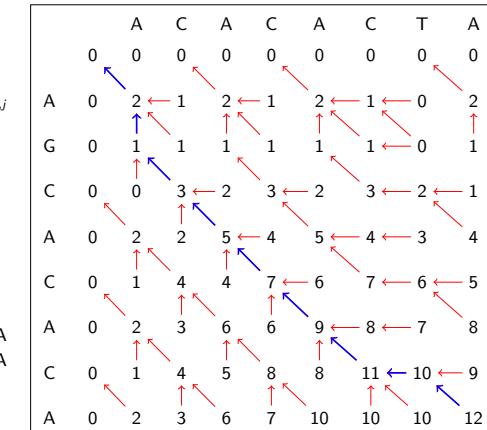
Exemple : Alignement local de séquences AGCACACA et ACACACTA

Coûts : Match $m_{i,j} = +2$, Insertion/Déletion $p_i = p_j = -1$

$$\begin{aligned} W(i,0) &= 0 \\ W(0,j) &= 0 \\ W(i,j) &= \max \left\{ \begin{array}{l} W(i-1, j-1) + m_{i,j} \\ W(i-1, j) + p_i \\ W(i, j-1) + p_d \end{array} \right. \end{aligned}$$

Meilleur alignement

A G C A C A C - A
A - C A C A C T A



Propriétés requise d'un schéma :

- **Validité** : \forall sous-problème, la valeur obtenue doit être celle de la fonction objectif.

Preuve souvent assez technique.

Propriétés souhaitables d'un schéma :

- **Complétude** : Espace des solutions engendré par la décomposition.
Des astuces algorithmiques peuvent *couper des branches...*
- **Non-ambiguité** : Chaque solution est *engendrée* au plus une fois.
 \Rightarrow Possibilité d'**énumérer** l'espace des solutions.

1 Introduction

- Fonction(s) de l'ARN
- Repliement et structure
- Représentations de la structure secondaire

2 Formalisation du repliement et outils disponibles

- Aparté thermodynamique
- Programmation dynamique : Rappels

3 Minimisation de l'énergie libre

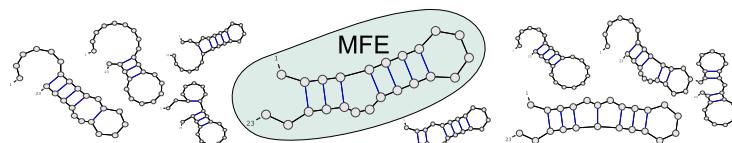
- Modèle de Nussinov
- Modèle de Turner
- MFold/Unafold
- Performances et approches comparatives
- Vers une prédition ab-initio 3D

Repliement par minimisation d'énergie

Problème A : Déterminer la structure d'énergie minimale.

Repliement ab initio =

Trouver structure d'un ARN ω uniquement à partir de sa séquence.



- **Conformations** : Ensemble S_ω des structures secondaires compatibles avec la structure primaire ω (contrainte d'appariements).
- **Fonction d'énergie** Énergie libre associant une valeur numérique $E_{\omega,S}$ (KCal.mol^{-1}) à tout couple séquence/conformation (ω, S) .
- **Structure native** : Conformation *fonctionnelle* de la molécule.

Remarques :

- Pas nécessairement unique (Cinétique ou structures bi-stables)
- Présence de pseudo-noeuds : Ambiguité, quelle est la structure native ?

Modèle de Nussinov/Jacobson

Modèle de Nussinov/Jacobson (NJ)

Plus proche voisins simple :

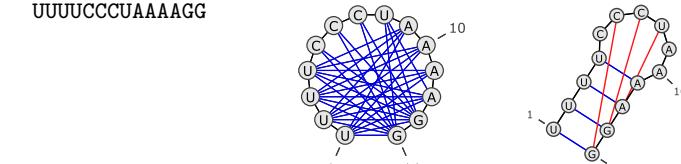
- Seuls les appariements contribuent à l'énergie
- Uniquement liaisons Watson/Crick (A/U,C/G) et Wobble (G/U)

$$\Rightarrow E_{\omega,S} = -\# \text{Paires}(S)$$

Repliement dans NJ \Leftrightarrow **Maximisation** du nombre de paires de bases.

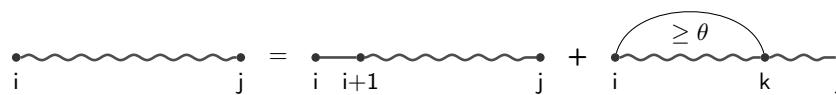
Exemple :

UUUUUCCCUAAAAGG



Variante : Pondérer les paires selon leur nombre de liaisons hydrogène
 $\Delta G(G \equiv C) = -3$ $\Delta G(A = U) = -2$ $\Delta G(G - U) = -1$

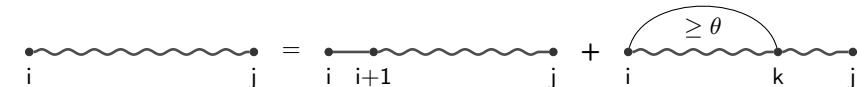
Décomposition de Nussinov/Jacobson



$$N_{i,t} = 0, \quad \forall t \in [i, i + \theta]$$

$$N_{i,j} = \min \left\{ \begin{array}{ll} N_{i+1,j} & i \text{ non apparié} \\ \min_{k=i+\theta+1}^j E_{i,k} + N_{i+1,k-1} + N_{k+1,j} & i \text{ apparié à } k \end{array} \right.$$

Décomposition de Nussinov/Jacobson



$$N_{i,t} = 0, \quad \forall t \in [i, i + \theta]$$

$$N_{i,j} = \min \left\{ \begin{array}{ll} N_{i+1,j} & i \text{ non apparié} \\ \min_{k=i+\theta+1}^j E_{i,k} + N_{i+1,k-1} + N_{k+1,j} & i \text{ apparié à } k \end{array} \right.$$

Correction : On cherche à montrer que l'énergie de la structure d'énergie la plus faible ($\text{MFE}_{1,n}$) est bien calculée dans $N_{1,n}$. Dans toute structure secondaire restreinte à $[i, j]$ la première position i est :

- Soit non-appariée : $\text{MFE}_{i,j}$ est constituée des appariements de $\text{MFE}_{i+1,j}$.
- Soit appariée à k : $\text{MFE}_{i,j}$ contient l'appariement (i, k) et l'union des appariements de $\text{MFE}_{i+1,k-1}$ et de $\text{MFE}_{k+1,j}$. En effet, tout appariement entre les régions $[i+1, k-1]$ et $[k+1, j]$ croiserait (i, k) (Pseudonoeud).

Nussinov/Jacobson

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
.
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	4	5	7	7	8	10		
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8				
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	6	7					
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	7						
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5					
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	3					
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2						
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
C	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

Nussinov/Jacobson

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
.
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8				
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	6	7					
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	7						
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5					
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	5	7	7	8	2	3
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	3
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2						
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
C	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
.
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A																		

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
.
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A																		

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.).	.	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A																		

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.).	.	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A																		

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10		
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	6	7			
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7					
C	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	$\text{Diagram: } i \xrightarrow{\text{wavy line}} j = i \xrightarrow{\text{solid line}} i+1 \xrightarrow{\text{solid line}} j + i \xrightarrow{\geq \theta} k \xrightarrow{\text{solid line}} j$												0	0	0	0	0	0
G	i	j	i	i+1	j	i	k	j										
A																		0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10			
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7						
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5			
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	$\text{Diagram: } i \xrightarrow{\text{wavy line}} j = i \xrightarrow{\text{solid line}} i+1 \xrightarrow{\text{solid line}} j + i \xrightarrow{\geq \theta} k \xrightarrow{\text{solid line}} j$												0	0	0	0	0	0
G	i	j	i	i+1	j	i	k	j										
A																		0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10			
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7						
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	$\text{Diagram: } i \xrightarrow{\text{wavy line}} j = i \xrightarrow{\text{solid line}} i+1 \xrightarrow{\text{solid line}} j + i \xrightarrow{\geq \theta} k \xrightarrow{\text{solid line}} j$												0	0	0	0	0	0
G	i	j	i	i+1	j	i	k	j										
A																		0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10			
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7						
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	$\text{Diagram: } i \xrightarrow{\text{wavy line}} j = i \xrightarrow{\text{solid line}} i+1 \xrightarrow{\text{solid line}} j + i \xrightarrow{\geq \theta} k \xrightarrow{\text{solid line}} j$												0	0	0	0	0	0
G	i	j	i	i+1	j	i	k	j										
A																		0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	6	7	7	8	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	3	3	3	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	6	7	7	8	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	3	3	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.		
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	6	7	7	8	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(.)	.		
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	6	7	7	8	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
((.))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10	10
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
G	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
((.))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	7	7
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	5	5	7
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
G	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	7	7
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	5	5	7
C	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
G	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	5	5	7
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	5	5	7
C	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	4	4	5	7	7
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
G	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i	k	j	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.).).).)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	7	8	10		
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	8	8		
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	8	8	8	8		
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10		
C	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	8	8	8		
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
G	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.).).).)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	8	8				
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8		
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10		
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
G	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.).).).)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	8	8				
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8		
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10		
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	8	8		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
G	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.).).).)	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	8	10			
A	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	8			
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	8					
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	6	7		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	7		
C	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
G	i		j	=	i		j	+	i		k	j						
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j						

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.)))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	7	8	10		
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8		
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7					
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5		
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	2	3	3	3		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2			
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
A	i		j	=	i		j	+	k	j								
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.)	.	.)))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10		
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	7	8	10		
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8		
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7					
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5	5		
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	2	3	3	3		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2			
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
A	i		j	=	i		j	+	k	j								
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.)	.	.)))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10		
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	7	8	10		
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8		
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7					
C	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5	5		
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	2	3	3	3		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2			
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
A	i		j	=	i		j	+	k	j								
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

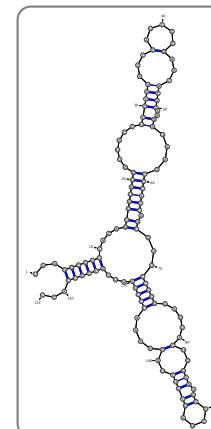
	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.	.)	.	.)))	.	
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	7	9	11	11	11	
G	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	6	8	10	10	10	
A	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10		
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	4	5	7	7	7	8	10		
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	5	8	8		
C	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8			
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7				
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	5	7					
C	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	5		
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	2	2	2	3	3	3		
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2		
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
A	i		j	=	i		j	+	k	j								
G	i		j	=	i		j	+	k	j								
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.)	.	((.	.	.))))	.
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	6	9	9	11	11	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	5	5	5	8	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	7	8	10	10	10
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	2	2	4	5	7	7	8	10
U	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	2	2	3
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j				0		
G	i		j	=	i		j	+	i		k	j				0		
A																		0

	C	G	G	A	U	A	C	U	U	C	U	U	A	G	A	C	G	A
(((.	.	.)	.	((.	.	.))))	.
C	0	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	9	9	11	14	14
G	0	0	0	0	0	3	4	4	6	6	6	6	6	6	6	7	9	11
G	0	0	0	0	0	3	3	3	5	5	5	5	5	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	4	5	7	7	8	10	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	2	2	4	5	7	7	8	10	10	10	10
A	0	0	0	0	0	0	2	2	2	5	5	5	8	8	8	8	8	8
C	0	0	0	0	0	0	0	2	5	5	5	5	8	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	10	10	10
U	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	5	7	7	5	5	5	7	7
C	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	8	8	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	10	10
U	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	7	7	5	5	5	7	7
C	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	3	5	5	5	8	8	8
U	0	0	0	0	0	0	0	0	2	3	5	5	5	6	7	7	8	10
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	i		j	=	i		j	+	i		k	j				0		
G	i		j	=	i		j	+	i		k	j				0		
A																		0

Modèle de Turner

Basée sur décomposition non-ambiguë en boucles de la structure 2^{aire} :



Énergies libres ΔG des boucles dépendent des bases, assymétrie, bases libres (dangle) ...

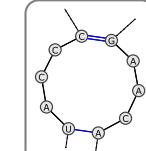
Déterminées expérimentalement
+ Interpolation pour grandes boucles.

Meilleure résultats grâce à la prise en compte de l'empilement.

Modèle de Turner

Basée sur décomposition non-ambiguë en boucles de la structure 2^{aire} :

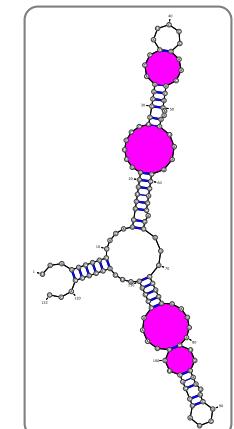
- Boucles internes



Énergies libres ΔG des boucles dépendent des bases, assymétrie, bases libres (dangle) ...

Déterminées expérimentalement
+ Interpolation pour grandes boucles.

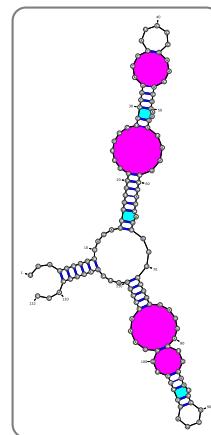
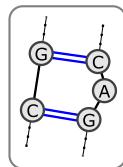
Meilleure résultats grâce à la prise en compte de l'empilement.



Modèle de Turner

Basée sur décomposition non-ambiguë en boucles de la structure 2^{aire} :

- Boucles internes
- Renflements



Énergies libres ΔG des boucles dépendent des bases, assymétrie, bases *libres* (dangle) ...

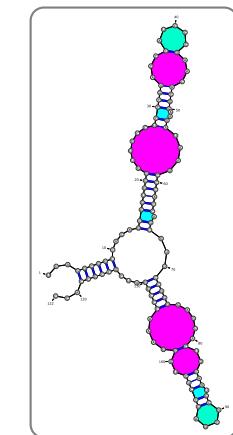
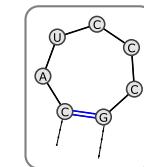
Déterminées expérimentalement
+ Interpolation pour grandes boucles.

Meilleure résultats grâce à la prise en compte de l'empilement.

Modèle de Turner

Basée sur décomposition non-ambiguë en boucles de la structure 2^{aire} :

- Boucles internes
- Renflements
- Boucles terminales



Énergies libres ΔG des boucles dépendent des bases, assymétrie, bases *libres* (dangle) ...

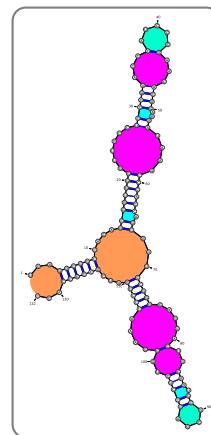
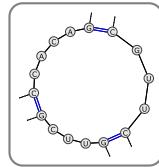
Déterminées expérimentalement
+ Interpolation pour grandes boucles.

Meilleure résultats grâce à la prise en compte de l'empilement.

Modèle de Turner

Basée sur décomposition non-ambiguë en boucles de la structure 2^{aire} :

- Boucles internes
- Renflements
- Boucles terminales
- Boucles multiples



Énergies libres ΔG des boucles dépendent des bases, assymétrie, bases *libres* (dangle) ...

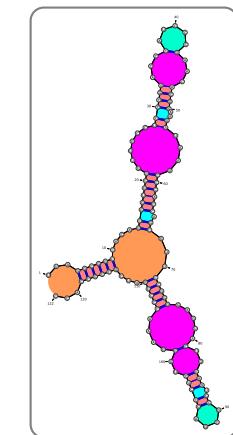
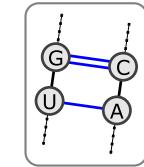
Déterminées expérimentalement
+ Interpolation pour grandes boucles.

Meilleure résultats grâce à la prise en compte de l'empilement.

Modèle de Turner

Basée sur décomposition non-ambiguë en boucles de la structure 2^{aire} :

- Boucles internes
- Renflements
- Boucles terminales
- Boucles multiples
- Empilements

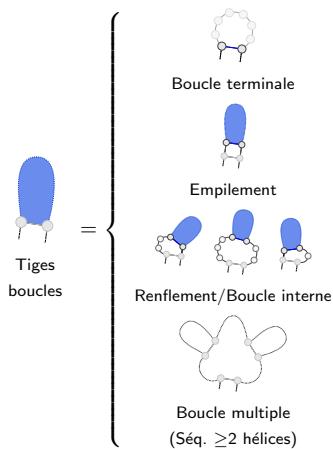


Énergies libres ΔG des boucles dépendent des bases, assymétrie, bases *libres* (dangle) ...

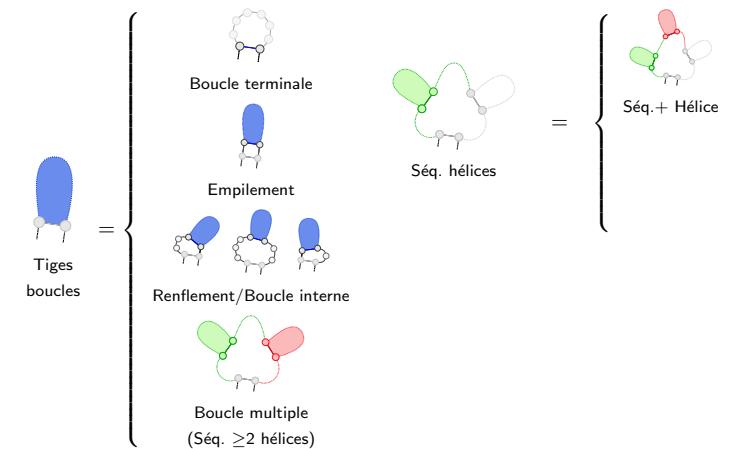
Déterminées expérimentalement
+ Interpolation pour grandes boucles.

Meilleure résultats grâce à la prise en compte de l'empilement.

MFE DP equations

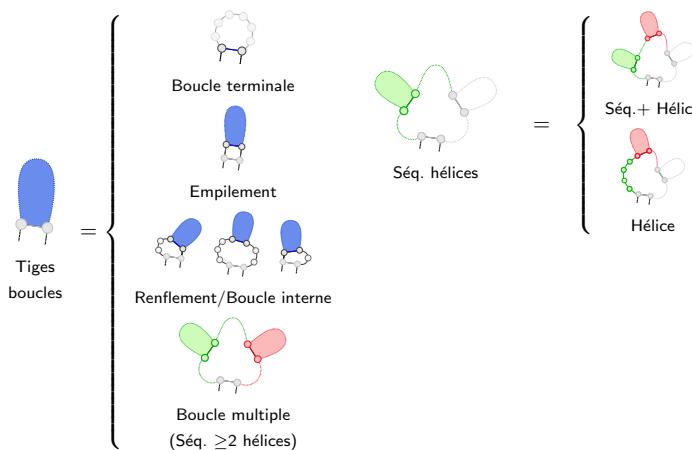


MFE DP equations



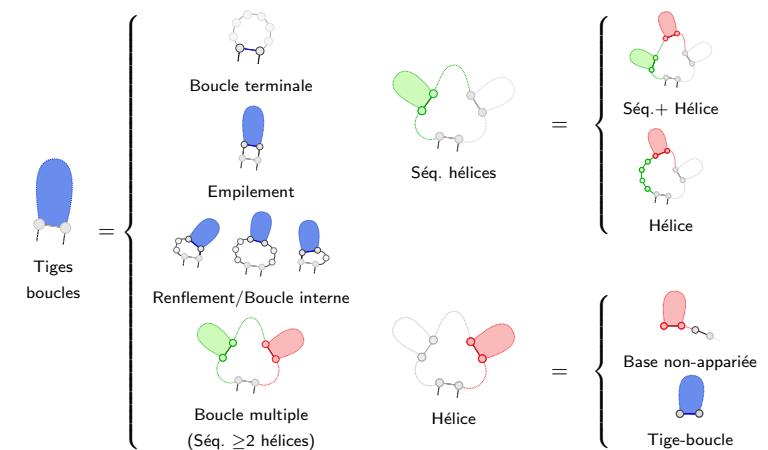
Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

MFE DP equations



Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

MFE DP equations



Yann Ponty

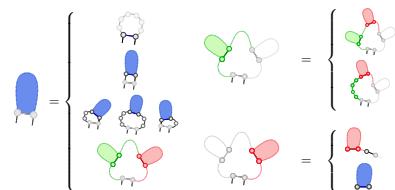
Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

MFold Unifold

- $E_H(i, j)$: Energie de boucle terminale fermée par une paire (i, j)
- $E_{Bl}(i, j)$: Energie de renflement ou boucle interne fermée par une paire (i, j)
- $E_S(i, j)$: Energie d'empilement $(i, j)/(i+1, j-1)$
- a, c, b : Pénalité de boucle multiple, hélice et non-appariées dans multiboucle.



Calcul des matrices

$$\begin{aligned} \mathcal{M}'_{i,j} &= \min \left\{ \begin{array}{l} E_H(i, j) \\ E_S(i, j) + \mathcal{M}'_{i+1, j-1} \\ \text{Min}_{i', j'} (E_{Bl}(i, i', j', j) + \mathcal{M}'_{i', j'}) \\ a + c + \text{Min}_k (\mathcal{M}_{i+1, k-1} + \mathcal{M}^1_{k, j-1}) \end{array} \right\} \\ \mathcal{M}_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ \min (\mathcal{M}_{i, k-1}, b(k-1)) + \mathcal{M}^1_{k, j} \right\} \\ \mathcal{M}^1_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ b + \mathcal{M}^1_{i, j-1}, c + \mathcal{M}'_{i, j} \right\} \end{aligned}$$

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Remontée (Backtracking)

Reconstruction de la structure d'énergie minimale :

$$\begin{aligned} \mathcal{M}'_{i,j} &= \min \left\{ \begin{array}{l} E_H(i, j) \\ E_S(i, j) + \mathcal{M}'_{i+1, j-1} \\ \text{Min}_{i', j'} (E_{Bl}(i, i', j', j) + \mathcal{M}'_{i', j'}) \\ a + c + \text{Min}_k (\mathcal{M}_{i+1, k-1} + \mathcal{M}^1_{k, j-1}) \end{array} \right\} \\ \mathcal{M}_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ \min (\mathcal{M}_{i, k-1}, b(k-1)) + \mathcal{M}^1_{k, j} \right\} \\ \mathcal{M}^1_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ b + \mathcal{M}^1_{i, j-1}, c + \mathcal{M}'_{i, j} \right\} \end{aligned}$$

2. Avec une astuce pour les bulges/boucles internes ...

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Remontée (Backtracking)

Reconstruction de la structure d'énergie minimale :

$$\begin{aligned} \mathcal{M}'_{i,j} &= \min \left\{ \begin{array}{l} E_H(i, j) \\ E_S(i, j) + \mathcal{M}'_{i+1, j-1} \\ \text{Min}_{i', j'} (E_{Bl}(i, i', j', j) + \mathcal{M}'_{i', j'}) \\ a + c + \text{Min}_k (\mathcal{M}_{i+1, k-1} + \mathcal{M}^1_{k, j-1}) \end{array} \right\} \\ \mathcal{M}_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ \min (\mathcal{M}_{i, k-1}, b(k-1)) + \mathcal{M}^1_{k, j} \right\} \\ \mathcal{M}^1_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ b + \mathcal{M}^1_{i, j-1}, c + \mathcal{M}'_{i, j} \right\} \end{aligned}$$

2. Avec une astuce pour les bulges/boucles internes ...

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Remontée (Backtracking)

Reconstruction de la structure d'énergie minimale :

$$\begin{aligned} \mathcal{M}'_{i,j} &= \min \left\{ \begin{array}{l} E_H(i, j) \\ E_S(i, j) + \mathcal{M}'_{i+1, j-1} \\ \text{Min}_{i', j'} (E_{Bl}(i, i', j', j) + \mathcal{M}'_{i', j'}) \\ a + c + \text{Min}_k (\mathcal{M}_{i+1, k-1} + \mathcal{M}^1_{k, j-1}) \end{array} \right\} \\ \mathcal{M}_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ \min (\mathcal{M}_{i, k-1}, b(k-1)) + \mathcal{M}^1_{k, j} \right\} \\ \mathcal{M}^1_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ b + \mathcal{M}^1_{i, j-1}, c + \mathcal{M}'_{i, j} \right\} \end{aligned}$$

$\mathcal{O}(n)$ contributeurs potentiels au Min :
 \Rightarrow Complexité au pire en $\mathcal{O}(n^2)$ pour un backtrack naïf.

2. Avec une astuce pour les bulges/boucles internes ...

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Remontée (Backtracking)

Reconstruction de la structure d'énergie minimale :

$$\begin{aligned} \mathcal{M}'_{i,j} &= \text{Min} \left\{ \begin{array}{l} E_H(i,j) \\ E_S(i,j) + \mathcal{M}'_{i+1,j-1} \\ \text{Min}_{i',j'}(E_B(i,i',j',j) + \mathcal{M}'_{i',j'}) \end{array} \right\} \\ \mathcal{M}_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ \min(\mathcal{M}_{i,k-1}, b(k-1)) + \mathcal{M}^1_{k,j} \right\} \\ \mathcal{M}^1_{i,j} &= \text{Min}_k \left\{ b + \mathcal{M}^1_{i,j-1}, c + \mathcal{M}'_{i,j} \right\} \end{aligned}$$

$\mathcal{O}(n)$ contributeurs potentiels au Min :

⇒ Complexité au pire en $\mathcal{O}(n^2)$ pour un backtrack naïf.

Garder les meilleures contributions aux Min ⇒ Backtrack en $\mathcal{O}(n)$

Complexités temps/mémoire en $\mathcal{O}(n^3)/\mathcal{O}(n^2)$ pour le précalcul²

Remontée (Backtracking)

Reconstruction de la structure d'énergie minimale :

$$\begin{aligned} \mathcal{M}'_{i,j} &= \text{Min} \left\{ \begin{array}{l} E_H(i,j) \\ E_S(i,j) + \mathcal{M}'_{i+1,j-1} \\ \text{Min}_{i',j'}(E_B(i,i',j',j) + \mathcal{M}'_{i',j'}) \end{array} \right\} \\ \mathcal{M}_{i,j} &\leftarrow = \text{Min}_k \left\{ \min(\mathcal{M}_{i,k-1}, b(k-1)) + \mathcal{M}^1_{k,j} \right\} \\ \mathcal{M}^1_{i,j} &\leftarrow = \text{Min}_k \left\{ b + \mathcal{M}^1_{i,j-1}, c + \mathcal{M}'_{i,j} \right\} \end{aligned}$$

$\mathcal{O}(n)$ contributeurs potentiels au Min :

⇒ Complexité au pire en $\mathcal{O}(n^2)$ pour un backtrack naïf.

Garder les meilleures contributions aux Min ⇒ Backtrack en $\mathcal{O}(n)$

Complexités temps/mémoire en $\mathcal{O}(n^3)/\mathcal{O}(n^2)$ pour le précalcul²

⇒ UnaFold [?] calcule la structure secondaire d'énergie minimale.

2. Avec une astuce pour les bulges/boucles internes ...

Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Deux approches

Definition (Repliement ab initio)

Partant de la séquence, trouver la conformation minimisant une fonction d'énergie.

Avantages :

- Explication mécanique
- Complexité raisonnable $\mathcal{O}(n^3)/\mathcal{O}(n^2)$ temps/mémoire
- Exploration exhaustive

Limites :

- Pas de cinétique
- Pas d'info évolutive
- Performances limitées

Definition (Approche comparative)

Partant de plusieurs séquences homologues ou d'un alignement, trouver une conformation de score (énergie+alignement) élevé.

Avantages :

- Meilleures performances
- Affinement permanent

Limites :

- Complexité élevée
- Exploration non-exhaustive

2. Avec une astuce pour les bulges/boucles internes ...

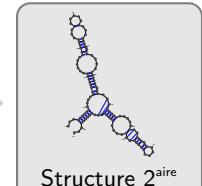
Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Performances

UUAGGGCGCCACAGC
GGUGGGGUUGGCCUC
CGUACCAUCCGAA
CACCGAAGAUAGCC
CACCAGCGUUCGGG
GAGUACUGAGUGCC
CGAGCCUCUGGGAAA
CCCGGUUCGCCGCGCA
CC

Séquence



Rappel : $MCC = \frac{t^+ t^- - f^+ f^-}{\sqrt{(t^+ + f^+)(t^+ + f^-)(t^- + f^+)(t^- + f^-)}}$

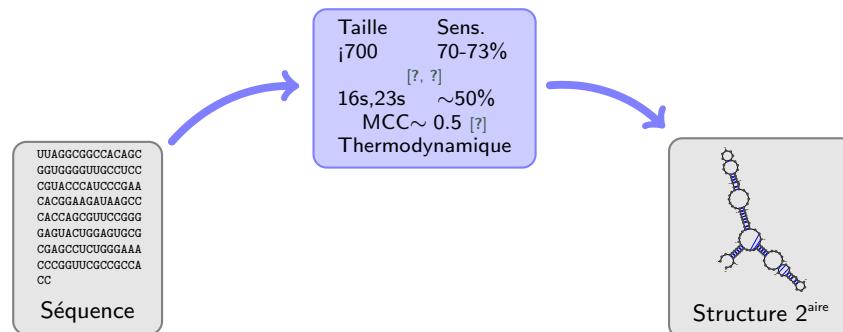
Yann Ponty

Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Yann Ponty

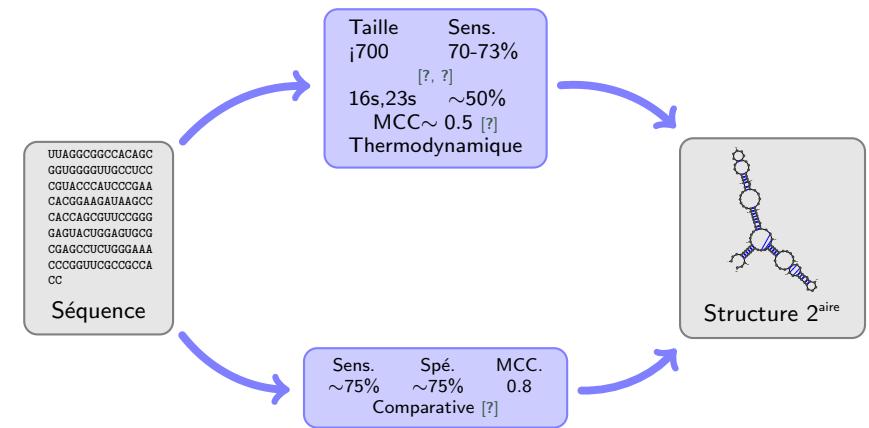
Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Performances



$$\text{Rappel : } MCC = \frac{t^+ t^- - f^+ f^-}{\sqrt{(t^+ + f^+)(t^+ + f^-)(t^- + f^+)(t^- + f^-)}}$$

Performances



Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Futur (proche) : Vers une prédition 3D

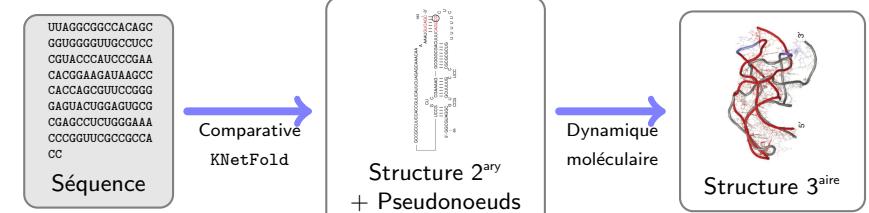
But : De la séquence à des modèles tri-dimensionnels !!!



Futur (proche) : Vers une prédition 3D

But : De la séquence à des modèles tri-dimensionnels !!!

- Models comparatifs + Dynamique moléculaires : RNA2D3D [?]

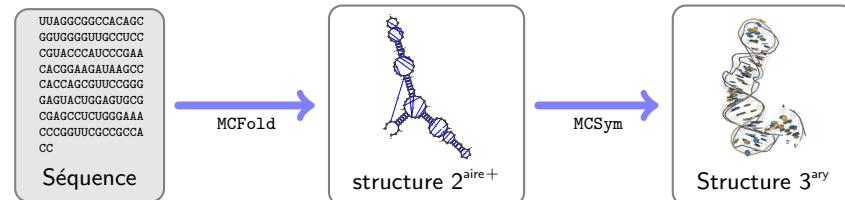


Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

Yann Ponty | Cours M2 BIM - Séance 1 - Repliement de l'ARN

But : De la séquence à des modèles tri-dimensionnels !!!

- Pipeline MC-Fold/MC-sym [?]



- [1] A. Condon, B. Davy, B. Rastegari, S. Zhao, and F. Tarrant.
Classifying RNA pseudoknotted structures.
Theoretical Computer Science, 320(1) :35–50, 2004.
- [2] K. Doshi, J. J. Cannone, C. Cobough, and R. R. Gutell.
Evaluation of the suitability of free-energy minimization using nearest-neighbor energy parameters for rna secondary structure prediction.
BMC Bioinformatics, 5(1) :105, 2004.
- [3] P. Gardner and R. Giegerich.
A comprehensive comparison of comparative rna structure prediction approaches.
BMC Bioinformatics, 5(1) :140, 2004.
- [4] R. B. Lyngsø and C. N. S. Pedersen.
RNA pseudoknot prediction in energy-based models.
Journal of Computational Biology, 7(3-4) :409–427, 2000.
- [5] N. Leontis and E. Westhof.
Geometric nomenclature and classification of RNA base pairs.
RNA, 7 :499–512, 2001.
- [6] D.H. Mathews, J. Sabina, M. Zuker, and D.H. Turner.
Expanded sequence dependence of thermodynamic parameters improves prediction of RNA secondary structure.
J Mol Biol, 288 :911–940, 1999.
- [7] Ján Maříček, Chris Thachuk, Ladislav Stacho, and Anne Condon.
Np-completeness of the direct energy barrier problem without pseudoknots.
pages 106–115, 2009.
- [8] N. R. Markham and M. Zuker.
Bioinformatics, chapter UNAFold, pages 3–31.
Springer, 2008.

- [1] M. Parisien and F. Major.
The MC-Fold and MC-Sym pipeline infers RNA structure from sequence data.
Nature, 452(7183) :51–55, 2008.
- [2] Lioudmila V Sharova, Alexei A Sharov, Timur Nedorezov, Yulan Piao, Nabeebi Shaik, and Minoru S H Ko.
Database for mrna half-life of 19 977 genes obtained by dna microarray analysis of pluripotent and differentiating mouse embryonic stem cells.
DNA Res, 16(1) :45–58, Feb 2009.
- [3] B. A. Shapiro, Y. G. Yingling, W. Kasprzak, and E. Bindewald.
Bridging the gap in rna structure prediction.
Curr Opin Struct Biol, 17(2) :157–165, Apr 2007.

Exercice : Parsing/repliement des structures secondaires (Python)

<http://www.lix.polytechnique.fr/~pontry/enseignement/2013-01-BIBS-TP1-RappelsPython.pdf>